



Biomax News • Biomax News • Biomax News • Biomax News

ZUR VERÖFFENTLICHUNG AM 23. Mai 2005

Kontakt:

Shannon Frances
Biomax Informatics AG
Lochhamer Str. 9
D-82152 Martinsried
Deutschland
Tel: +49 89 895574-0
Fax: +49 89 895574-825
Website: www.biomax.com

Valery Sagitov
Softberry, Inc.
116 Radio Circle, Suite 400
Mt. Kisco, NY 10549
USA
Tel.: (914) 242-3592
Fax: (914) 242-3593
Website: www.softberry.com

**Biomax Informatics AG und Softberry, Inc.,
vertiefen ihre Zusammenarbeit im Rahmen der Erstellung einer integrierten
Bioinformatikumgebung, die Komponenten zum Datenmanagement, zur Datenabfrage,
Sequenz-, und Strukturanalyse miteinander vereinigt**

Martinsried, Deutschland und Mount Kisco, NY USA – 23. Mai 2005 –

Biomax Informatics AG und Softberry, Inc. geben heute die Integration einer Reihe von Genomanalyseprogrammen von Softberry in die Biomax Software Produkte Pedant-Pro™ Sequence Analysis Suite und BioRS™ Retrieval and Integration System bekannt. Somit wird eine noch leistungsstärkere und flexiblere Umgebung für Management, Zugriff und Analyse von biologischen Daten geschaffen. Das System bietet ein umfassendes Datenbank- und Softwarepaket, welches je nach Benutzeranforderungen bis zu hundert unterschiedliche Softwaremodule für verschiedenste Forschungsanforderungen, im Bereich der Sequenzanalyse, Proteinmodellierung und Visualisierung vereinigt.

Über Biomax

Biomax Informatics AG (Martinsried, Deutschland) ist ein führendes Unternehmen in der Entwicklung kundenspezifischer Bioinformatiksoftware. Es wurde 1997 von Dr. D. Frishman, Dr. K. Heumann und Prof. Dr. H.-W. Mewes durch eine Ausgliederung aus der GSF-MIPS-Forscherguppe gegründet, dem heutigen Forschungszentrum für Umwelt und Gesundheit - Institut für Bioinformatik (GSF-IBI). Biomax entwickelte die bekannte Pedant-Pro™ Sequence Analysis Suite, das HarvESTer™ EST Clustering and Assembly System sowie andere Bioinformatiksoftware, die in der Analyse von Stoffwechselwegen, im Bereich der Proteomik und in der Genexpressionsanalyse eingesetzt werden. Zusätzliche Informationen über Biomax erhalten Sie auf der Webseite des Unternehmens unter www.biomax.com.

Über Softberry

Softberry, Inc., (Mount Kisco, NY, USA) ist ein führender Entwickler von Softwarewerkzeugen für die Genom- und proteomorientierte Forschung. Das Portfolio umfasst unter anderem folgende Komponenten: eine Familie von Programmen zur Analyse von Genen und Promotoren, Programme zur Vorhersage von „functional sites“, Programme zur Genomannotation, zum Genomvergleich und Sequenzmapping, für RNA und Proteinmodellierung, zur Vorhersage subzellulärer Lokalisation von Proteinen und Epitoperkennung, sowie eine

Datenbank regulatorischer Motive. Unter den Kunden von Softberry sind über 50 führende Unternehmen sowohl der pharmazeutischen-, biotechnologischen- und Agrarindustrie als auch weltweite akademische Forschungseinrichtungen. Weitere Informationen sind unter www.softberry.com erhältlich.

Über BioRS Integration and Retrieval System

Das BioRS™ Integration and Retrieval System ist ein professionelles und anwenderfreundliches System für die Abfrage und Integration heterogener öffentlicher und proprietärer Datenbanken in sowohl Flatfile- als auch relationalem Format. Mit dem BioRS-System lassen sich mehrere Datenbanken simultan und über bequeme Webschnittstellen schnell und flexibel abfragen. Administratoren können Flatfile- und relationale Datenbanken leicht für die Verwendung in einer Mehrbenutzerumgebung integrieren. Das BioRS-System nutzt eine Client-Server-Architektur und bietet individuelle Module für Abfrage, Indexierung und Syntexanalyse innerhalb einer verteilten Rechnerumgebung. Jedes Modul kann nahtlos mit externen Anwendungen integriert werden.

Über die Pedant-Pro Sequence Analysis Suite

Die Pedant-Pro™ Sequence Analysis Suite ist eine leistungsfähiges Softwarepaket zur Genomanalyse und bietet , eine bequeme und einfache zu bedienende Umgebung für eine umfassende Analyse von DNA und Proteinsequenzen. Die Software analysiert automatisch sowohl individuelle Sequenzen als auch vollständige Genome. Pedant besitzt eine leicht zu bedienende Oberfläche zur Auswertung der Gendaten und erlaubt dem Benutzer die manuelle Annotation zusätzlicher Detailinformationen. Das Pedant-Pro System identifiziert Gene und offene Leserahmen (ORFs), analysiert Sequenzähnlichkeiten, Proteindomänen, sekundäre Proteinstrukturen und referenziert auf relevante öffentliche Datenbanken. Das System reduziert den anfallenden Arbeits- und Zeitaufwand bei der Analyse von Sequenzdaten erheblich und gibt so dem Benutzer mehr Zeit für wichtige Forschungs- und Entwicklungsaufgaben.

Über Softberry Sequenz und Struktur Analyse Software

Softberrys Genvorhersage und Annotations Programmfamilie FGENESH wurde zur Analyse vieler sequenzierter Genome benutzt. Ihre Programme zur Vorhersage von „functional sites“ TSSW/TSSG/TSSP, NSITE und PromH, sowie die Programme zur Genomkartierung und Genomvergleiche Genomkartierungs- und Vergleichsprogramme Prot_Map, FMAP, EST_MAP, GenomesMatch gehören zu den schnellsten und besten auf dem Markt. Andere vielbenutzte Programme von Softberry sind ProtComp, zur Vorhersage subzellulärer Lokalisation von Proteinen, sowie ein Reihe von Programmen zur Unterstützung des Proteinmodellings.

Biomax, BioRS, HarvESTer, und Pedant-Pro sind eingetragene Warenzeichen der Biomax Informatics AG in Deutschland und anderen Ländern. In diesem Dokument benutzte eingetragene Namen, Warenzeichen etc., auch wenn nicht als solche markiert, sind nicht als rechtlich ungeschützt zu betrachten. Alle anderen Marken- oder Produktnamen sind Warenzeichen oder eingetragene Warenzeichen der jeweiligen Inhaber.

