

Biomax News • Biomax News • Biomax News •

ZUR UNMITTELBAREN VERÖFFENTLICHUNG

Kontakt:

Shannon Frances oder Sheridan Sanford
Biomax Informatics AG
Lochhamer Str. 11
D-82152 Martinsried
Deutschland
Tel: +49 89 895574-0
Fax: +49 89 895574-825
Internet: www.biomax.com

BIOMAX INFORMATICS AG und BRUNAK RESEARCH kündigen Zusammenarbeit an

MARTINSRIED, Deutschland – 5. August 2003 – Biomax Informatics AG und Brunak Research kündigten heute ihre Zusammenarbeit an, die es Biomax ermöglichen wird, mehrere am Center for Biological Sequence Analysis (CBS, (Lyngby, Dänemark) entwickelte Funktionsvorhersagealgorithmen nicht-exklusiv in die firmeneigenen Bioinformatiklösungen zu integrieren. Biomax wird im Gegenzug die Vorteile dieser Algorithmen bei seinen Kunden vorstellen.

Im Rahmen der Vereinbarung wird Biomax die Algorithmen SignalP, ChloroP, TargetP, NetPhos, NetOGlyc, NetNGlyc und TMHMM als weitere Vorhersagealgorithmen in Biomax-Bioinformatikprodukte einbinden. Die genannten Werkzeuge sagen die subzelluläre Lokalisation von Proteinen sowie deren posttranslationale Modifikation durch Phosphorylierung oder Glykosylierung präzise vorher, unabhängig von bestehender Sequenzähnlichkeit zu anderen Proteinen.

Dr. Jan Brunak von Brunak Research kommentierte die Zusammenarbeit: „Aufgrund ihrer nachweislichen Erfahrung als ein führender Anbieter in der Bereitstellung maßgeschneiderter Bioinformatiklösungen für Kunden in aller Welt ist die Firma Biomax ein exzellenter Partner, um den Bekanntheitsgrad der Entwicklungen am CBS zu erhöhen und die Marktpräsenz von Brunak Research auszuweiten. Während die akademische Nutzung der Vorhersage-Server am CBS (<http://www.cbs.dtu.dk/services/>) kostenlos ist (sie werden mehrere hunderttausend Mal pro Monat angewählt), erfordert eine kommerzielle Nutzung mit hohen Volumina eine Installation vor Ort. Durch die Einbindung der Algorithmen in Biomax-Software ist die Voraussetzung für eine solche Hochdurchsatznutzung gegeben.“

Dr. Dieter Maier, Projektmanager bei Biomax, stimmte dieser positiven Einschätzung zu. „Viele unserer Kunden nutzen bereits die Vorteile der CBS-Vorhersagemethoden. Wir empfehlen diese Methoden schon seit einiger Zeit, weil sie auf den besten verfügbaren Vorhersagealgorithmen basieren. Unsere Vereinbarung mit Brunak zielt darauf ab, die Zusammenarbeit zu strukturieren und zu verstärken, indem klare Ziele für Koentwicklung, Marketing und Verkauf

gesteckt werden und diese Ziele somit auch für beide Seiten deutlicher werden. Zielsetzung von Biomax ist es schon immer, Bioinformatiklösungen auf dem neuesten Stand der Wissenschaft für Firmen und Institute im Bereich der Lebenswissenschaften anzubieten. Wir betrachten die jetzt getroffene Vereinbarung mit Brunak Research als einen weiteren Impuls auf diesem Weg.“

Biomax wird die CBS-Algorithmen als zusätzliche Methoden in ihre Pedant-Pro™ Sequence Analysis Suite und die ReqALLer™ Bioinformatics Tool Box einbinden. Darüber hinaus werden Nutzer der umfassenden Biomax™ Human Genome Database die Möglichkeit haben, die CBS-Vorhersagen direkt mit den Ergebnissen anderer Quellen wie PROSITE zu vergleichen.

Lizenzen für die CBS-Algorithmen sind von Brunak Research erhältlich.

Über Biomax

Biomax Informatics AG (Martinsried, Deutschland) ist ein führendes Unternehmen in der Entwicklung kundenspezifischer Bioinformatiksoftware. Es wurde 1997 von Dr. D. Frishman, Dr. K. Heumann und Prof. Dr. H.-W. Mewes durch eine Ausgliederung aus der GSF-MIPS-Forscherguppe gegründet, dem heutigen Forschungszentrum für Umwelt und Gesundheit – Institut für Bioinformatik (GSF-IBI). Biomax entwickelte die bekannte Pedant-Pro™ Sequence Analysis Suite, das HarvESTer™ EST Clustering and Assembly System sowie andere Bioinformatiksoftware, die in der Analyse von Stoffwechselwegen, im Bereich der Proteomik und in der Genexpressionsanalyse eingesetzt werden. Zusätzliche Informationen über Biomax erhalten Sie auf der Webseite des Unternehmens unter www.biomax.com.

Über das Center for Biological Sequence Analysis

Das Center for Biological Sequence Analysis arbeitet seit 1993 an der Aufklärung funktioneller Aspekte von komplexen biologischen Mechanismen. Schwerpunkte liegen auf der Identifizierung von Genen, der Genexpression, Funktion und posttranslationalen Modifikation von Proteinen, immunologischer Bioinformatik, molekularer Evolution, der vergleichenden mikrobiellen Genomik und der integrativen Systembiologie. Das von Dr. Søren Brunak geleitete Zentrum hat ca. 35 Mitarbeiter und beherbergt damit eine der großen akademischen Bioinformatikgruppen Europas (www.cbs.dtu.dk).

Über Brunak Research

Brunak Research, ein Anbieter für wissenschaftliche Software, verkauft vorwiegend akademisch entwickelte bioinformatische Vorhersagewerkzeuge für die kommerzielle Nutzung in der pharmazeutischen und biotechnologischen Industrie. Die Firma bietet Lizenzen verschiedenen Umfangs (gültig firmenweit, standortbegrenzt oder für Einzelgeräte) für eine große Auswahl an Plattformen (Linux®, SGI™/IRIX®, SGI/Linux, SUN™/SunOS™, HP™, IBM®/AIX®). Die Firma ist Eigentum von Jan Brunak und hat ihren Sitz in Kopenhagen, Dänemark (www.brunak.dk).

Biomax, HarvESTer, Pedant-Pro und ReqALLer sind eingetragene Warenzeichen der Biomax Informatics AG in Deutschland und anderen Ländern. Linux ist ein eingetragenes Warenzeichen von Linus Torvalds. SGI ist ein Warenzeichen und IRIX ein eingetragenes Warenzeichen von Silicon Graphics, Inc. SUN und SunOS sind Warenzeichen von Sun Microsystems, Inc. HP ist ein Warenzeichen von HP. AIX und IBM sind eingetragene Warenzeichen von IBM. In diesem Dokument benutzte eingetragene Namen, Warenzeichen etc., auch wenn nicht als solche markiert, sind nicht als rechtlich ungeschützt zu betrachten. Alle anderen Marken- oder Produktnamen sind Warenzeichen oder eingetragene Warenzeichen der jeweiligen Inhaber.

