



**Molecular Networks**



**Biomax Informatics AG**

**Biomax News • Biomax News • Biomax News •**

**ZUR UMGEHENDEN VERÖFFENTLICHUNG**

Ansprechpartner:

**Peyton Hughes**

Biomax Informatics AG  
Lochhamer Str. 11  
D-82152 Martinsried  
Germany  
Tel: +49 89 895574-0  
Fax: +49 89 895574-25  
Web site: [www.biomax.de](http://www.biomax.de)

**Oliver Sacher**

Molecular Networks GmbH  
Nägelsbachstr. 25  
D-91052 Erlangen  
Germany  
Tel: +49 9131 815668  
Fax: +49 9131 815669  
Web site: [www.mol-net.de](http://www.mol-net.de)

**BIOMAX INFORMATICS AG und MOLECULAR NETWORKS GmbH  
kündigen ihre enge Zusammenarbeit bei der Produktentwicklung an**

**MARTINSRIED und ERLANGEN; Deutschland -- 09. Juli 2001 --**

Biomax Informatics und Molecular Networks kündigen heute eine strategische Partnerschaft für gemeinsame Entwicklungen auf den Gebieten der Bioinformatik und Chemoinformatik an. Molecular Networks ist spezialisiert auf die Entwicklung von Software in den Bereichen Arzneimittelforschung, Kombinatorische Chemie und Data Mining, während Biomax viel Erfahrung auf den Gebieten der DNA- und Proteinsequenzanalyse einbringt, die bei der Erforschung neuer Medikamente sowie der Integration von Datenbanken von großer Bedeutung sind. Das Ziel dieser Zusammenarbeit beider Firmen ist die Entwicklung von Programmsystemen zur Identifizierung von Arzneimittel-Targets und der Generierung und Validierung von Leitstrukturen.

Die gemeinsame Nutzung hauseigener Technologien bietet Biomax und Molecular Networks eine optimale Plattform zur Entwicklung von Werkzeugen für die Arzneimittelforschung. Neuentwickelte Produkte sollen von beiden Unternehmen gemeinsam vermarktet werden. Die einzelnen Prozesse in der Arzneimittelforschung, wie z.B. Gensequenzierung, kombinatorische Molekülsynthese, High-Throughput

Screening, Wirkstoffsuche und Optimierung, bis hin zum Moleküldesign werden zunehmend automatisiert. Durch den Einsatz von Computern und Techniken des Data Mining können wertvolle Informationen schnell aus vorhandenen Daten herausgefiltert werden. Anders wird man den Herausforderungen der Arzneimittelforschung nicht begegnen können. Laufend aktuell abrufbare Information wird nicht nur ausschlaggebend für den Entscheidungsprozeß sein, sondern wird vielmehr auch zur Beschleunigung der Arzneimittelentwicklung beitragen. Beide Unternehmen sind überzeugt, daß nur gemeinsames Handeln zukünftigen Herausforderungen gerecht werden kann.

„Obwohl beide Unternehmen schon seit geraumer Zeit einen Gedankenaustausch pflegen, ist diese formelle Übereinkunft ein Meilenstein in der Entwicklung neuer Produkte“, sagt Prof. Dr. Johann Gasteiger, Geschäftsführer von Molecular Networks. „Biomax, führender Anbieter kundenorientierter Bioinformatik-Lösungen, hat rechtzeitig die Bedürfnisse seiner Kunden nach einem integrierten Produkt erkannt, welches in der Lage ist, Chemoinformatik-Tools in die Biomax™ Softwarelösungen zu integrieren. Damit werden umfassende Werkzeuge für den gesamten Arzneimittelentwicklungsprozess erreicht. Mit der Unterzeichnung dieses Vertrages wird diese Integration vorangetrieben.“

„Molecular Networks entwickelte CORINA, welches basierend auf der Bindungskonnektivität eines Moleküls automatisch dreidimensionale Atomkoordinaten generiert,“ erklärt Dr. Klaus Heumann, Vorstandsvorsitzender von Biomax. „Diese leistungsfähige Software - ergänzt mit weiteren Programmen von Molecular Networks und verschiedenen anderen Tools von Biomax, wie z.B. das Pedant-Pro™ Sequence Analysis Suite - wird die Entwicklung der Arzneimittelforschung maßgeblich vorantreiben. Abläufe, die bis dato viele Schritte erforderten, werden vereinfacht. Das Ergebnis wird die nahtlose Integration und Optimierung des Prozesses von der Identifizierung eines Arzneimittel-Targets bis zur Validierung des Wirkstoffs sein. Bis jetzt wurden Bioinformatik und Chemoinformatik getrennt behandelt. Wegen bestehender Nachfragen unserer Kunden nach solch integrierter Software erschien uns dieser Schritt im Rahmen unserer Produktentwicklung logisch und notwendig.“

### **Über Molecular Networks**

Molecular Networks GmbH (Erlangen, Deutschland) wurde 1997 als Ausgründung des Computer-Chemie-Centrums der Universität Erlangen-Nürnberg etabliert. Die Firma hat sich spezialisiert auf die Entwicklung von Programmsystemen zur Lösung chemischer Problemstellungen. Dazu zählen die automatische Generierung dreidimensionaler Molekülmodelle (CORINA), die Umwandlung herkömmlicher Datenbanken in solche mit dreidimensionaler Strukturinformation, der Vergleich kommerzieller Substanzbibliotheken, die Planung organischer Synthesen, die Suche nach Leitstrukturen und deren Optimierung, die Modellierung quantitativer Struktur-Aktivitäts-Beziehungen, sowie die Simulation chemischer Reaktionen und metabolischer Stoffwechselwege. Molecular Networks hat weltweit mehr als 80 Installationen von CORINA lizenziert. Seit Januar 2001 benützt MDL Information Systems exklusiv CORINA zum Aufbau neuer 3D-Struktur-Datenbanken. Zusätzliche Informationen über Molecular Networks erhalten Sie auf der Webseite des Unternehmens unter <http://www.mol-net.de>.

## Über Biomax

Biomax Informatics AG (Martinsried, BRD) ist ein führendes Unternehmen in der Entwicklung kundenorientierter Bioinformatik Software. Es wurde 1997 aus einer Ausgliederung der GSF-MIPS-Forschergruppe, das heutige deutsche Forschungszentrum für Umwelt und Gesundheit – Institut für Bioinformatik (GSF-IBI), gegründet. Gegründet von Dr. D. Frishman, Dr. K. Heumann und Prof. Dr. H. Mewes, entwickelte Biomax das bekannte Pedant-Pro™ Sequence Analysis Suite, BioRS™ Integration and Retrieval System und andere Bioinformatiksoftware, die in der Analyse von Stoffwechselwegen, im Bereich der Proteomics und in der Genexpressionsanalyse eingesetzt werden. Zusätzliche Informationen über Biomax erhalten Sie auf der Webseite des Unternehmens unter <http://www.biomax.de>

Biomax, BioRS, and Pedant-Pro are registered trademarks of Biomax Informatics AG in Germany and other countries. All other products or company names are used for identification purposes only, and may be the trademarks of their respective owners.